

基礎抗酸菌症学分野

論文

A 欧文

A-a

1. Mitarai S, Yamada H, Aono A, Chikamatsu K, Higuchi T, Igarashi Y, Takaki A. External quality assessment of anti-tuberculosis drug susceptibility testing for diagnosing extensively drug-resistant *Mycobacterium tuberculosis*. *Kekkaku* 2019; 94(1): 7–12.
2. Aono A, Morimoto K, Chikamatsu K, Yamada H, Igarashi Y, Murase Y, Takaki A, Mitarai S. Antimicrobial susceptibility testing of *Mycobacteroides* (*Mycobacterium*) abscessus complex, *Mycolicibacterium* (*Mycobacterium*) fortuitum, and *Mycobacteroides* (*Mycobacterium*) chelonae. *J Infect Chemother* 2019 Feb; 25(2): 117–123. (IF:1.539)
3. Izumi K, Morimoto K, Hasegawa N, Uchimura K, Ato M, Mitarai S. Epidemiology of adults and children treated for nontuberculous mycobacterial pulmonary disease in Japan. *Ann ATS* 2019; 16(3): 341–347. (IF:4.026)
4. Tsuyuguchi K, Sasaki Y, Mitarai S, Kurosawa K, Saito Y, Koh T. Safety, efficacy, and pharmacokinetics of bedaquiline in Japanese patients with pulmonary multidrug-resistant tuberculosis: An interim analysis of an open-label, phase 2 study. *Respir Investig* 2019 Jul;57(4):345-353.
5. Iwamoto T, Murase Y, Yoshida S, Aono A, Kuroda M, Sekizuka T, Yamashita A, Kato K, Takii T, Kato S, Mitarai S. Overcoming the pitfalls of automatic interpretation of whole genome sequencing data by online tools for the prediction of pyrazinamide resistance in *Mycobacterium tuberculosis*. *PLoS ONE* 14(2): e0212798. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0212798> (IF:2.776)
6. Takeda K, Murase Y, Kawashima M, Suzukawa M, Suzuki J, Yamane A, Igarashi Y, Chikamatsu K, Morishige Y, Aono A, Yamada H, Takaki A, Nagai H, Matsui H, Tohma S, Mitarai S. A case of laboratory cross-contamination of *Mycobacterium tuberculosis* *J Infect Chemother*. 2019; Apr25: 610–614. (IF:1.539)
7. Mohammed HHH, Abdelhafez EMN, Abbas SH, Moustafa GAI, Hauk G, Berger JM, Mitarai S, Arai M, Abd El-Baky RM, Abu-Rahma GEA. Design, synthesis and molecular docking of new N-4-piperazinyl ciprofloxacin-triazole hybrids with potential antimicrobial activity. *Bioorg Chem*. 2019 Jul;88:102952. doi: 10.1016/j.bioorg.2019.102952. (IF:3.926)
8. Tamura K, Kawasuji H, Tachi S, Kawasaki Y, Nagaoka M, Makimoto M, Sakamaki I, Yamamoto Y, Kanatani J, Isobe J, Mitarai S, Yoneda N, Yoneda S, Saito S, Yoshida T. Congenital tuberculosis in an extremely preterm infant and prevention of nosocomial infection. *J Infect Chemother* 2019; 25(9): 727–730. (IF:1.539)
9. Furuuchi K, Morimoto K, Yoshiyama T, Tanaka Y, Fujiwara K, Okumura M, Izumi K, Shiraiishi Y, Mitarai S, Ogata H, Kurashima A, Yoshimori K, Ohta K, Goto H, Sasaki Y. Interrelational changes in epidemiology and clinical features of nontuberculous mycobacterial pulmonary disease and tuberculosis in Japan. *Respiratory Medicine* 2019; 152: 74–80. (IF:3.237)
10. Chikamatsu K, Aono A, Kawai A, Hata H, Iwamoto T, Igarashi Y, Takaki A, Yamada H, Mitarai S. Evaluation of Q Gene *Mycobacteria*: A novel and easy nucleic acid chromatography method for mycobacterial species identification. *J Microbiol Method* 2019 Aug;163:105657. doi: 10.1016/j.mimet.2019.105657. (IF:1.803)
11. Tsai MA, Wang PC, Yoshida S, Aono A, Mitarai S, Wada T, Chen SC. Establishment of loop-mediated isothermal amplification for rapid and convenient detection of *Mycobacterium marinum* complex. *J Microbiol Method* 2019 Sep;164:105671. doi: 10.1016/j.mimet.2019.105671. (IF:1.803)
12. Phelan JE, Lim DR, Mitarai S, de Sessions PF, Tujan MAA, Reyes LT, Medado IAP, Palparan AG, Naim ANM, Jie S, Segubre-Mercado E, Simoes B, Campino S, Hafalla JC, Murase Y, Morishige Y, Hibberd ML, Kato S, Ama MCG Clark TG. *Mycobacterium tuberculosis* whole genome sequencing provides insights into the Manila strain and drug-resistance mutations in the Philippines. *Sci Rep* 2019; 9; Article number 9305. (IF:4.011)
13. Takii T, Seki K, Wakabayashi Y, Morishige Y, Sekizuka T, Yamashita A, Kato K, Uchimura K, Ohkado A, Keicho N, Mitarai S, Kuroda M, Kato S. Whole-genome sequencing-based epidemiological analysis of anti-tuberculosis drug resistance genes in Japan in 2007: Application of the Genome Research for Asian Tuberculosis (GReAT) database. *Sci Rep* 2019; 9, Article number: 12823 (IF:4.011)
14. Morimoto K, Izumi K, Ato M, Hasegawa N, Mitarai S. Actual treatment practices of pulmonary nontuberculous mycobacteriosis analysed in Japan. *Resp Med* 2019 <https://doi.org/10.1016/j.rmed.2019.10.002> (IF:3.237)
15. Yoshida S, Tsuyuguchi K, Chikamatsu K, Aono A, Takaki A, Mitarai S, Kobayashi T, Inoue Y, Suzuki K. Antimicrobial susceptibility patterns and minimum inhibitory concentrations among non-photochromogenic rapidly growing *Mycobacteroides* and *Mycolicibacterium* species. *J Med Microbiol* 2019 Sep;68(9):1279-1286. (IF:1.926)
16. Keicho N, Hijikata M, Morimoto K, Homma S, Taguchi Y, Azuma A, Kudoh S. Primary ciliary dyskinesia caused by a large homozygous deletion including exons 1-4 of DRC1 in Japanese patients with recurrent sinopulmonary infection. *Mol Genet Genomic Med*. DOI: 10.1002/mgg3.1033,2019 (IF:2.448)
17. Inaba A, Furuhashi M, Morimoto K, Rahman M, Takahashi O, Hijikata M, Knowles MR, Keicho N. Primary Ciliary Dyskinesia in Japan: Systematic review and meta-analysis. *BMC Pulm Med*. Jul 25;19(1):135. doi: 10.1186/s12890-019-0897-4, 2019

(IF:2.448)

18. Morimoto K, Hijikata M, Zariwala MA, Nykamp K, Inaba A, Guo TC, Yamada H, Truty R, Sasaki Y, Ohta K, Kudoh S, Leigh MW, Knowles MR, Keicho N. Recurring large deletion in DRC1 (CCDC164) identified as causing primary ciliary dyskinesia in two Asian patients. *Mol Genet Genomic Med.* 7: e838. doi: 10.1002/mgg3.838, 2019. (IF:2.184)
19. Hang NTL, Hijikata M, Maeda S, Thuong PH, Ohashi J, Van Huan H, Hoang NP, Miyabayashi A, Cuong VC, Seto S, Van Hung N, Keicho N. Whole genome sequencing, analyses of drug resistance-conferring mutations, and correlation with transmission of *Mycobacterium tuberculosis* carrying kat G-S315T in Hanoi, Vietnam. *Sci Rep.* 9(1):15354. doi: 10.1038/s41598-019-51812-7, 2019 (IF:2.448)
20. Maeda S, Hijikata M, Hang NTL, Thuong PH, Van Huan H, Hoang NP, Van Hung N, Cuong VC, Miyabayashi A, Seto S, Keicho N. Genotyping of *Mycobacterium tuberculosis* spreading in Hanoi, Vietnam using conventional and whole genome sequencing method. *Infect Genet Evol.* doi.org/10.1016/j.meegid.2019.104107, 2019 (IF:4.011)
21. Takii T, Seki K, Wakabayashi Y, Morishige Y, Sekizuka T, Yamashita A, Kato K, Uchimura K, Ohkado A, Keicho N, Mitarai S, Kuroda M, Kato S. Whole-genome sequencing-based epidemiological analysis of anti-tuberculosis drug resistance genes in Japan in 2007: Application of the Genome Research for Asian Tuberculosis (GRAT) database. *Sci Rep.* 9(1), 12823, doi.org/10.1038/s41598-019-49219-5, 2019 (IF:2.611)
22. Fini ME, Jeong S, Gong H, Martinez-Carrasco R, Laver NMV, Hijikata M, Keicho N, Argüeso P. Membrane-associated mucins of the ocular surface: New genes, new protein functions and new biological roles in human and mouse. *Prog Retin Eye Res.* Sep4: 100777. doi: 10.1016/j.preteyeres.100777, 2019 (IF:4.011)
23. Izumi K, Murase Y, Uchimura K, Kaebeta A, Ishihara K, Kaguraoka S, Takii T, and Ohkado A. Transmission of tuberculosis and predictors of large clusters within three years in an urban setting in Tokyo, Japan: a population-based molecular epidemiological study. *BMJ Open* 2019; 9: e029295. doi:10.1136/bmjopen-2019-029295. (IF:2.376)
24. Ohkado A, Querri A, Shimamura T, Ota M, and Garfin AMC. Referral and Treatment Outcomes of Tuberculosis Patients who Crossed the Border from Japan to the Philippines. *Int J Mycobacteriol* 2019; 8: 180-4.
25. Takii T, Seki K, Wakabayashi Y, Morishige Y, Sekizuka T, Yamashita A, Kato K, Uchimura K, Ohkado A, Keicho N, Mitarai S, Kuroda M, and Kato S. Whole-genome sequencing-based epidemiological analysis of antituberculosis drug resistance genes in Japan in 2007: Application of the Genome Research for Asian Tuberculosis (GRAT) database. *Scientific Reports* 2019; 9: 12823. <https://doi.org/10.1038/s41598-019-49219-5>. (IF:4.011)

A-e

1. Mitarai S. Next generation sequencing and practical issue. *Monglian J Infect Dis Res* 2019; 86(3): 40.
2. Takaki A, Chikamatsu K, Igarashi Y, Okumura H, Sekiguchi S, Ikeda M, Tomii T, Tamai K, Nakada Y, Aono A, Murase Y, Yamada H, Mitarai S. Isolation profile of *Mycobacteriaceae* in Japan, 2014-2015. 29th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases. Amsterdam, Netherland, 13–16 April 2019.
3. Takaki A, Aono A, Chikamatsu K, Igarashi Y, Shimomura Y, Murase Y, Yoshida H, Tamura Y, Nagai T, Morishige Y, Yamada H, Mitarai S. Characteristics drug susceptibility test of 178 drug-resistant *Mycobacterium tuberculosis* isolates for bedaquiline, clofazimine in Japan. ERS International Congress. Madrid, Spain on 28 September to 2 October 2019.
4. Stephanie Bjerrum, Rita Szekely, Satoshi Mitarai, Tobias Broger, Japheth Opintan, Ernest Kenu, Margaret Lartey, Kwasi Addo, Chikamatsu K, Aurélien Mace, Samuel Schumache, Emmanuel Moreau, Maunank Shah, Isik Somuncu Johansen, Claudia Denkinger. Diagnostic accuracy of rapid urine Fujifilm SILVAMP TB LAM testing to diagnose tuberculosis among people living with HIV in Ghana. 50th Union World Conference on Lung Health, Hyderabad, India, 30 October - 2 November 2019.
5. Oyuntuya Tumenbayar, Erdenegerel Narmandakh, Tsetsegtuya Borolzoi, Baasansuren Erkhembayar, Tsolmon Boldoo, Naranzul Dambaa, Buyankhishig Burneebaatar, Yoshiro Murase, Yuta Morishige, Akio Aono, Kinuyo Chikamatsu and Satoshi Mitarai. Genome TB epidemiology from national prevalence survey in Mongolia. 50th Union World Conference on Lung Health, Hyderabad, India, 30 October - 2 November 2019.
6. Kentaro Sakashita, Rikiya Takeuchi, Keita Takeda, Mikio Takamori, Kensuke Ito, Yuriiko Igarashi, Eiji Hayashi, Mari Iguchi, Masahiro Ono, Tetsuya Kashiyama, Masatoshi Tachibana, Jun Miyakoshi, Koichi Yano, Yu Sato, Miyake Yamamoto, Miyako Kitazono, Kengo Murata, Akihiko Wada, Kinuyo Chikamatsu, Akio Aono, Akiko Takaki, Hideaki Nagai, Akira Yamane, Masahiro Kawashima, Mariko Komatsu, Kazunari Nakaishi, Satoshi Watabe and Satoshi Mitarai. MPT64 detection in sputum with an ultrasensitive enzyme-linked immunosorbent assay to detect viable *Mycobacterium tuberculosis*. 50th Union World Conference on Lung Health, Hyderabad, India, 30 October - 2 November 2019.
7. Yoshiro Murase, Rikiya Takeuchi, Yoshiharu Otaki, Kazunari Nakaishi, Etsuro Ito, Satoshi Watabe, Satoshi Mitarai. Development of one-day drug susceptibility testing by monitoring MPT64 antigen secreted from *Mycobacterium tuberculosis*. 50th Union World Conference on Lung Health, Hyderabad, India, 30 October - 2 November 2019.
8. Hijikata M, Maeda S, Hang NT, Thuong PH, Hoang NP, Tam DB, Pham Thu Anh, Hoang VH, Hung NV, Miyabayashi A, Matsushita I, Seto S, Sakurada S, Keicho N. Host and pathogen genome: Tuberculosis in Hanoi, Vietnam. 21th International Conference on Emerging Infectious Diseases in the Pacific Rim, U.S.-Japan Cooperative Medical Sciences Program (USJCMSP), Hanoi, Vietnam, Feb26-Mar1, 2019, SESSION 2: Topic – Genomics, p20.

9. Hang NTL, Hijikata M, Maeda S, Thuong PH, Hoang VH, Hoang NP, Miyabayashi A, Cuong VC, Seto S, Hung NV, Keicho N. Genome wide analysis of drug-resistant Mycobacterium tuberculosis in Hanoi, Vietnam. Asian-African Research Forum on Emerging and Reemerging Infections 2019, Hokkaido, Sep5-6, 2019, oral.
10. Hang NTL, Hijikata M, Maeda S, Hoang VH, Hoang NP, Miyabayashi A, Cuong VC, Seto S, Thuong PH, Keicho N. Epidemiological factors and drug resistance-conferring mutations in Mycobacterium tuberculosis isolates in Hanoi, Vietnam. Asian-African Research Forum on Emerging and Reemerging Infections 2019, Hokkaido, Sep5-6, 2019, poster.
11. Hang NTL, Hijikata M, Maeda S, Thuong PH, Hoang VH, Hoang NP, Matsushita I, Keicho N. Drug resistance-conferring mutations in Mycobacterium-tuberculosis isolated from retreated patients in Hanoi, Vietnam. ERS International Congress 2019, Madrid, Spain, Sep28-Oct2, 2019, N104, Session 254, OA2135.
12. Hijikata M, Hang NTL, Tam DB, Seto S, Cuong VC, Hoang VH, Thuong PH, Keicho N. Whole blood mirnas: search for biomarkers of tuberculosis infection leading to disease development. TB Science 2019, Hyderabad, India, Oct29-30, 2019, IJTLD, 23(10), TB Science PO, S613.
13. Kawatsu L, Uchimura K, and Ohkado A. Young, but dying of tuberculosis in Japan - analysis of Japan TB surveillance data 2010-2015. 7th Conference of International Union Against Tuberculosis and Lung Disease, Asia Pacific Region, April 23-26, 2019, Manila. Poster Session-Epidemiology of TB 005, Program p.21.
14. Kawatsu L, Uchimura K, Izumi K, and Ohkado A. At risk of infecting others by profession? - a study on occupational risk for secondary infection in Osaka City, Japan. 7th Conference of International Union Against Tuberculosis and Lung Disease, Asia Pacific Region, April 23-26, 2019, Manila. Poster Session-Epidemiology of TB 003, Program p.21.
15. Ohkado A. Tuberculosis and Tobacco Control. 7th Conference of International Union Against Tuberculosis and Lung Disease, Asia Pacific Region, April 23-26, 2019, Manila. Convention Symposium 8 INTEGRATING TB INITIATIVES INTO OTHER PROGRAMS, Program p.30.
16. Ohashi A, Querri A, Nagamatsu Y, Kawatsu L, and Ohkado A. "Do I really have Tuberculosis?" Many and complex reasons why patients do not start or complete tuberculosis treatment. A qualitative study in an urban poor setting in the Philippines. 7th Conference of International Union Against Tuberculosis and Lung Disease, Asia Pacific Region, April 23-26, 2019, Manila. Poster Session-TB and Health Social Science-051, Program p.38.
17. Querri A, Ohkado A, Kawatsu L, Bermejo J, Manese D, and Garfin AMC. They say smoking is bad for health... yes, I know!" - a qualitative study on the perceptions of TB patients on smoking cessation advice given at health centers in Manila, Philippines. 7th Conference of International Union Against Tuberculosis and Lung Disease, Asia Pacific Region, April 23-26, 2019, Manila. Poster Session-TB and Smoking-071, Program p.40.
18. Yamada H, Chikamatsu K, Aono A, Murata K, Miyazaki N, Kayama Y, Fujiwara N, Maeda S, Mitarai S. Comparison of the cell morphological properties examined with whole-mount ice-embedded cryo transmission electron microscopy between 5 genera in family Mycobacteriaceae. 8th Congress of European Microbiologists. Glasgow, Scotland, 7-11 July 2019.
19. Mitarai S. TB genome database. GLOPID-R. Tokyo, Japan, 13-14 May 2019.
20. Noda J, Takahashi K, Kojima U, Tomizawa S, Morimoto K, Mitarai S. A possible survival mechanism of bioaerosols with particulate matters. European Aerosol Conference 2019. Gothenburg, Sweden, 25-30 August 2019.

B 邦文

B-a

1. 五十嵐ゆり子, 近松絹代, 青野昭男, 本橋加津恵, 中井ひとみ, 青井秀樹, 水野和重, 山田博之, 高木明子, 御手洗聡. 臨床検体における改良型アクリジンオレンジ蛍光染色液の抗酸菌染色性評価. 臨床微生物学会雑誌 2019; 29(1): 12-16.
2. 青野昭男, 近松絹代, 五十嵐ゆり子, 村瀬良朗, 山田博之, 高木明子, 御手洗聡. 結核菌薬剤感受性試験における小川法 kanamycin および amikacin 精度の検討 結核 2019; 94(2): 35-38.
3. 結核療法研究協議会 (療研). 日本国内における結核菌の薬剤耐性状況に関する研究: 2012-2013. 結核 2019; 94(8): 439-449. (corresponding: Mitarai S.)
4. 河津里沙, 内村和広, 大角晃弘. 出所前および出所後の刑事施設費収容者における結核治療の転帰. 結核 2019; 94(5): 361-365.
5. 河津里沙, 内村和広, 大角晃弘, 小向潤, 松本健二, 米田佳美, 吉田英樹. 「結核デザインジャーグループ」の疫学的検証—大阪市における接触者健診の分析より. 結核 2019; 94(11-12): 575-580.

B-b

1. 浅見貴弘, 御手洗聡. 薬剤感受性検査 抗酸菌検査 Update-現状と問題点. Medical Technology 2019; 47(2): 126-131.
2. 御手洗聡. 診断法の現状と進歩 非結核性抗酸菌症をめぐる最近の話題. 臨床と微生物 2019; 46(4): 305-310.
3. 御手洗聡. 尿や便を使った結核菌検査法. 保健師・看護師の結核展望 2019; 57: 97-101.

4. 御手洗聡. 非結核性抗酸菌の分離培養・同定/ 遺伝子検査・薬剤感受性試験. 臨床検査 2019; 63: 1038-1045.
5. 御手洗聡. 結核の診断. 感染と消毒 2019; 26(2): 143-146.
6. 慶長直人, 土方美奈子, 森本耕三. 特集/びまん性肺疾患診療の新しい展開. びまん性汎細気管支炎と原発性線毛機能不全症. 臨床と研究. 96(10), 57-62(1171-1176), 2019

B-c

1. 御手洗聡. 結核の診断はどうするか B. 結核菌検査 結核 Up to Date 四元秀毅, 倉島篤行, 永井英明 (編集). 南江堂, 東京, pp. 19-21 所収 2019.
2. 慶長直人. 第1章-16 分子生物学からみた結核研究の現在. 結核 Up to Date(改訂第4版). 南江堂, 189-195. 2019

B-d

1. コピー位置
2. X

B-e

1. 高木明子, 関口幸恵, 奥村 元, 池田将之, 富井貴之, 玉井清子, 中田有希子, 近松絹代, 五十嵐ゆり子, 下村佳子, 森重雄太, 青野昭男, 村瀬良朗, 山田博之, 御手洗聡. DDH マイコバクテリア同定不能菌 200 株を基にした国内の稀少抗酸菌分離頻度及びバイテック MS による同定精度評価. 臨床微生物学会雑誌 2019; 29(S1): 418.
2. 御手洗聡. 抗酸菌薬剤耐性の解析 (合同シンポジウム9). 感染症学会雑誌 (臨時増刊号) 2019; 93(3): 307.
3. 高木明子, 加藤朋子, 青野昭男, 近松絹代, 五十嵐ゆり子, 下村佳子, 森重雄太, 村瀬良朗, 山田博之, 御手洗聡. Analysis of high-level linezolid resistant Mycobacterium tuberculosis mutants. 日本細菌学会雑誌 2019; 73(1): 38.
4. 御手洗聡. ゲノムデータベース+TGS-TB (結核菌ゲノム解析プラットフォーム)+将来像 (シンポジウム). 結核 2019; 94(3): 195.
5. 吉田志緒美, 露口一成, 岩本朋忠, 村瀬良朗, 青野昭男, 高木明子, 御手洗聡, 井上義一, 鈴木克洋. RFP を除く化学療法中に異なる RFP 耐性遺伝子兵員を持つ臨床分離株が誘導された耐性結核の一例. 結核 2019; 94(3): 223.
6. 高木明子, 吉多仁子, 近松絹代, 青野昭男, 村瀬良朗, 五十嵐ゆり子, 森重雄太, 山田博之, 田村嘉孝, 永井崇之, 御手洗聡. Bedaquiline および Delamanid 耐性関連遺伝子変異の解析. 結核 2019; 94(3): 226.
7. 古内浩司, 森本耕三, 吉山 崇, 田中良明, 藤原啓司, 奥村昌夫, 泉 清彦, 白石裕治, 御手洗聡, 尾形英雄, 倉島篤行, 吉森浩三, 大田 健, 後藤 元, 佐々木結花. 肺非結核性抗酸菌症と結核の長期的な臨床疫学的変化の検討. 結核 2019; 94(3): 269.
8. 近松絹代, 青野昭男, 高木明子, 五十嵐ゆり子, 山田博之, 御手洗聡, 加藤誠也, 永井英明. 結核菌薬剤耐性 2012-2013: 第15回結核療法研究協議会全国調査. 結核 2019; 94(3): 294.
9. 村瀬良朗, 森重雄太, 青野昭男, 近松絹代, 山田博之, 五十嵐ゆり子, 高木明子, 御手洗聡. 広域的な結核菌ゲノム分子疫学調査の有用性評価に関する研究. 結核 2019; 94(3): 295.
10. 森重雄太, 青野昭男, 村瀬良朗, 近松絹代, 五十嵐ゆり子, 山田博之, 高木明子, 御手洗聡. 発育不能 (VBNC) 結核菌の生理状態の定量的解析法. 結核 2019; 94(3): 296.
11. 浅見貴弘, 青野昭男, 近松絹代, 武田啓太, 森重雄太, 村瀬良朗, 山田博之, 高木明子, 御手洗聡. Mycobacteroides abscessus subsp. abscessus に対するベダキリン、クロファジミン、アミカシンの細菌学的効果の検討. 結核 2019; 94(3): 308.
12. 武田啓太, 川島正裕, 永井英明, 平野悠太, 比嘉克行, 伊藝博士, 日下 圭, 成本 治, 赤川志のぶ, 山根 章, 田村厚久, 松井弘稔, 當間重人, 近松絹代, 青野昭男, 高木明子, 御手洗聡. 肺 Mycobacteroides abscessus complex 症診断時検体での Early reading time における Clarithromycin 耐性. 結核 2019; 94(3): 310.
13. 林 悠太, 八木光昭, 福井保太, 垂水 修, 中川 拓, 山田憲隆, 近松絹代, 高木明子, 小川賢二. 浸潤陰影を呈し診断に苦慮した肺非結核性抗酸菌症 (Mycobacterium mageritense) の1例. 結核 2019; 94(3): 229.
14. 土方美奈子, 宮林亜希子, 瀬戸真太郎, 小越菜保子, 慶長 直人. ベトナム医療従事者の IL-12 受容体 $\beta 2$ 鎖遺伝子 (IL12RB2) 多型と潜在性結核感染症. 第94回日本結核病学会総会, 大分, 2019年6月, 結核. 94(3): 297, 2019
15. 前田 伸司, 宮林亜希子, 土方美奈子, 慶長 直人. ベトナムハノイ地区から分離した結核菌株の遺伝系統と薬剤耐性菌の割合. 第94回日本結核病学会総会, 大分, 2019年6月. 結核. 94(3): 295, 2019
16. 瀬戸真太郎, 土方美奈子, 慶長 直人. プロテオミクスで明らかにする結核肉芽腫のタンパク質ダイナミクス. 第94回日本結核病学会総会, 大分, 2019年6月. 結核. 94(3): 208, 2019

17. 土方美奈子、宮林亜希子、瀬戸真太郎、慶長直人. RNA-Seq による *Mycobacterium avium* 刺激時の BEAS-2B 細胞の RNA 発現変化とエリスロマイシンの影響の検討. 第 38 回気道分泌研究会, 東京, 2019 年 4 月.
18. 大角晃弘. 途上国における結核対策について. 第 94 回日本結核病学会総会. 2019 年 6 月 7~8 日. 於大分. シンポジウム 5 途上国における結核対策. 結核 2019; 94(3): 187.
19. 山田紀男, Phalin Kamolwat, Yanvasakul Panumat, 大角晃弘. タイ国における UHC 下で実施される結核対策の患者報告システムの改善状況の暫定分析. 第 94 回日本結核病学会総会. 2019 年 6 月 7~8 日. 於大分. 結核 2019; 94(3): 268.
20. 下内昭, 松本健二 小向潤 津田侑子 吉田秀樹 大角晃弘. 結核高まん延地域での胸部 X 線検査による結核検診の効用. 第 94 回日本結核病学会総会. 2019 年 6 月 7~8 日. 於大分. 結核 2019; 94(3): 272.
21. 森本耕三, 能田 淳, 牧 輝弥, 御手洗聡. 肺非結核性抗酸菌症の地域差と環境エアロゾルの関係. 第 12 回大気バイオエアロゾルシンポジウム
22. 矢島美穂子, 井上奈津子, 野田 葵, 増田貴代子, 松浦美佐子, 山田織恵, 高橋和志, 五十嵐康子, 鈴木康之, 清水淑子, 御手洗聡. 透析患者へのフットケアの試み. 第 64 回日本透析医学会学術集会・総会.
23. 森重雄太, 近松絹代, 五十嵐ゆり子, 青野昭男, 村瀬良朗, 山田博之, 高木明子, 御手洗聡. VBNC 結核菌に対するピルビン酸およびその類縁体の影響. 第 33 回バイオフィルム学会学術集会
24. 御手洗聡, 佐野創太郎, 宮本重彦, 直原啓明, 高木明子. 迅速発育性抗酸菌簡易同定核酸クロマトキットの開発. プログラム・抄録集 184. 第 68 回日本感染症学会東日本地方会学術集会. 仙台 2019 年 10 月 16-18 日.

学会発表数

A-a	A-b		B-a	B-b	
	シンポジウム	学会		シンポジウム	学会
5	1	4	3	1	2

社会活動

氏名・職	委員会等名	関係機関名
御手洗聡・教授	理事・抗酸菌検査法検討委員会委員長	日本結核病学会
御手洗聡・教授	Journal of Infection and Chemotherapy 編集委員	日本感染症学会 日本化学療法学会
御手洗聡・教授	評議員・精度管理委員	日本臨床微生物学会
御手洗聡・教授	感染症診査協議会委員	東京都荒川区荒川保健所
御手洗聡・教授	学校結核対策委員会委員	東京都荒川区教育委員会
御手洗聡・教授	Global Laboratory Initiative member	World Health Organisation StopTB Partnership
御手洗聡・教授	Editorial Board Member	Journal of Microbiological Method
御手洗聡・教授	Editorial Board Member	International Journal of Mycobacteriology
御手洗聡・教授	外部精度管理事業企画検討委員会委員	厚生労働省健康局
御手洗聡・教授	薬剤耐性ワンヘルス動向調査検討委員会委員	厚生労働省健康局
御手洗聡・教授	Board member	Zambia Tuberculosis and Leprosy Trust (ZATULET)
慶長直人・教授	日本結核・非結核性抗酸菌症学会	代議員、将来計画委員
慶長直人・教授	中野区感染症診査協議会委員	東京都中野区
慶長直人・教授	複十字病院呼吸器センター呼吸器内科	公益財団法人結核予防会複十字病院
慶長直人・教授	帝京大学アジア国際感染症制御研究所運営委員会委員	帝京大学アジア国際感染症制御研究所
大角晃弘・准教授	日本結核病学会	代議員
大角晃弘・准教授	感染症診査協議会委員	東京都渋谷区

大角晃弘・准教授	学校結核対策委員会委員	東京都渋谷区
大角晃弘・准教授	結核対策推進会議委員	神奈川県川崎市
大角晃弘・准教授	感染症発生動向調査検討委員会委員	埼玉県

競争的研究資金獲得状況（共同研究を含む）

氏名・職	資金提供元	代表・分担	研究題目
御手洗聡・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	代表	新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進研究事業「オミックス情報に基づく結核感染制御技術の開発研究」
御手洗聡・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	分担	新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進研究事業「結核低蔓延化に向けた国内の結核対策に資する研究」
御手洗聡・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	分担	新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進研究事業「非結核性抗酸菌症の発生動向把握及び診断・治療法の開発に向けた研究」
御手洗聡・教授	厚生労働省	分担	新興・再興感染症及び予防接種政策推進研究事業研究「国内の病原体サーベイランスに資する機能的なラボネットワークの強化に関する研究」
御手洗聡・教授	文部科学省	代表	文部科学省科学研究費基盤C一般「抗酸菌前処理法の効率化に関する研究」
御手洗聡・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	分担	地球規模課題対応国際科学技術協力プログラム（感染症研究分野）「開発途上国のニーズを踏まえた感染症対策研究」
慶長直人・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	代表	新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進事業「結核の発病予測向上と治療期間短縮を目指した生物学的要因の探索」
慶長直人・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	分担	新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進事業「海外とのネットワークを活用した多剤耐性結核の総合的対策に資する研究」
慶長直人・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	分担	新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進事業「オミックス情報に基づく結核感染制御技術の開発研究」
慶長直人・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	分担	新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進研究事業「非結核性抗酸菌症の発生動向把握及び診断・治療法の開発に向けた研究」
慶長直人・教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	分担	感染症研究国際展開戦略プログラム「ベトナムにおける感染症制御研究・開発プロジェクト」
慶長直人・教授	厚生労働科学研究費補助金	分担	難治性疾患政策研究事業「びまん性肺疾患に関する調査研究」
慶長直人・教授	学術研究助成基金助成金	分担	科学研究費助成事業（学術研究助成基金助成金）基盤研究（C）「HLA領域のムチンMUC22遺伝子とアジア人の非嚢胞性線維症性気管支拡張症の検討」
慶長直人・教授	学術研究助成基金助成金	分担	科学研究費助成事業（学術研究助成基金助成金）基盤研究（C）「原発性線毛機能不全症候群－日本人に最適化した診断法の確立と

			診断アルゴリズムの開発」
大角晃弘・准教授	国立研究開発法人日本医療研究開発機構（AMED）	分担	新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進研究事業「効果的・効率的な感染・発病予防対策」
大角晃弘・准教授	文部科学省	代表	文部科学省科学研究費基盤C一般「国境を越えて移動する結核患者の医療継続支援制度構築とその有用性の評価」
大角晃弘・准教授	厚生労働省	代表	厚生労働行政推進調査事業費補助金（新興・再興感染症及び予防接種政策推進研究事業）「わが国による入国前結核健診事業精度保証のガイドラインの策定に資する研究」
御手洗聡・教授	JANSSEN PHARMACEUTICA N.V.		Bedaquiline 外部精度評価及びブレイクポイント適正性評価
御手洗聡・教授	和光純薬		遺伝子増幅法による結核菌及び <i>Mycobacterium avium/intracellulare</i> 同定検査システムの性能評価
御手洗聡・教授	AFI テクノロジー・極東製薬工業		抗酸菌の迅速濃縮、高感度検出に関する手法およびシステムの研究開発
御手洗聡・教授	医学生物学研究所		抗酸菌核酸同定試薬の開発
御手洗聡・教授	カネカ		抗酸菌核酸同定試薬の開発
御手洗聡・教授	極東製薬工業		抗酸菌感受性検査試薬の開発
御手洗聡・教授	ロシュ・ダイアグノスティクス		抗酸菌核酸同定試薬の開発
御手洗聡・教授	Foundation for Innovative New Diagnostics (FIND)		抗酸菌検出試薬の開発
御手洗聡・教授	LSI メディエンス		抗酸菌検出試薬の開発
御手洗聡・教授	明治製菓ファルマ		抗酸菌薬の研究開発
御手洗聡・教授	東洋紡		抗酸菌検出試薬の開発
御手洗聡・教授	富士フイルム		抗酸菌検出試薬の開発

その他

非常勤講師

氏名・職	職（担当科目）	関係機関名
御手洗聡・教授	非常勤講師	東北大学大学院医学系研究科
慶長直人・教授	東京大学医学部呼吸器学非常勤講師	東京大学
慶長直人・教授	東京大学院農学生命科学研究科非常勤講師	東京大学
大角晃弘・准教授	非常勤講師	東海大学健康科学部 看護学科大学院
大角晃弘・准教授	非常勤講師	東海大学医学部 医学科
大角晃弘・准教授	非常勤講師	埼玉県立大学 保健医療福祉学部健康開発学科

○特筆すべき事項

- ①Ohkado A. Executive Director, Research Institute of Tuberculosis/Japan Anti-Tuberculosis Association, Philippines, Inc. (RJPI), Manila, Philippines (2019/1-201/03)