

## 分子疫学分野

### 論文

#### A 欧文

##### A-a

1. Noguchi A, Ito H, Miura S, Fujii Y, Katayama K, Nakagomi T, Nakagomi O, Takahashi T: Regional variations in the incidence of rotavirus hospitalization in children living in defined regions of Akita and Kyoto prefectures, Japan. *Jpn J Infect Dis* 70(2): 167-170, 2017 (IF:1.273)
2. Do LP, Kaneko M, Nakagomi T, Gauchan P, Agbemabiese CA, Dang AD, Nakagomi O: Molecular epidemiology of Rotavirus A, causing acute gastroenteritis hospitalizations among children in Nha Trang, Vietnam, 2007-2008: Identification of rare G9P[19] and G10P[14] strains. *J Med Virol* 89(4): 621-631, 2017 (IF:1.935)
3. Nakagomi T, Do LP, Agbemabiese CA, Kaneko M, Gauchan P, Doan YH, Jere KC, Steele AD, Iturriza-Gomara M, Nakagomi O, Cunliffe NA: Whole-genome characterisation of G12P[6] rotavirus strains possessing two distinct genotype constellations co-circulating in Blantyre, Malawi, 2008. *Arch Virol* 162(1): 213-226, 2017 (IF:2.058)
4. Nakagomi T, Nguyen MQ, Gauchan P, Agbemabiese CA, Kaneko M, Do LP, Vu TD, Nakagomi O: Evolution of DS-1-like G1P[8] double-gene reassortant rotavirus A strains causing gastroenteritis in children in Vietnam in 2012/2013. *Arch Virol* 162(3): 739-748, 2017 (IF:2.058)
5. Hoa-Tran TN, Nakagomi O, Dao AT, Nguyen AT, Agbemabiese CA, Vu HM, Nakagomi T, Thanh NT: Molecular epidemiology of noroviruses detected in Vietnamese children with acute gastroenteritis from 2012 to 2015. *J Med Microbiol* 66(1): 34-45, 2017 (IF:3.391)
6. Agbemabiese CA, Nakagomi T, Gauchan P, Sherchand JB, Pandey BD, Cunliffe NA, Nakagomi O: Whole genome characterisation of a porcine-like human reassortant G26P[19] Rotavirus A strain detected in a child hospitalised for diarrhoea in Nepal, 2007. *Infect Genet Evol* 54: 164-169, 2017 (IF:2.885)
7. Fujii Y, Noguchi A, Miura S, Ishii H, Nakagomi T, Nakagomi O, Takahashi T: Effectiveness of rotavirus vaccines against hospitalisations in Japan. *BMC Pediatr* 17(1): 156, 2017 (IF:2.071)
8. Agbemabiese CA, Nakagomi T, Nguyen MQ, Gauchan P, Nakagomi O: Reassortant DS-1-like G1P[4] Rotavirus A strains generated from co-circulating strains in Vietnam, 2012/2013. *Microbiol Immunol* 61(8): 328-336, 2017 (IF:1.706)
9. Kubo Y, Masumoto H, Izumida M, Kakoki K, Hayashi H, Matsuyama T: Rab3a-bound CD63 is degraded and Rab3a-free CD63 is incorporated into HIV-1 particles. *Front Microbiol* 8: 1653, 2017 (IF:4.076)
10. Ishikawa T, Otaki H, Mizuta S, Kuriyama M, Onomura O, Higuchi N, Nakashima MN, Nakashima M, Ohyama K: Computational study of the competitive binding of valproic acid glucuronide and carbapenem antibiotics to acylpeptide hydrolase. *Drug Metab Pharmacokinet* 32(4): 201-207, 2017 (IF:2.146)
11. Watanabe K, Ishikawa T, Otaki H, Mizuta S, Hamada T, Nakagaki T, Ishibashi D, Urata S, Yasuda J, Tanaka Y, Nishida N: Structure-based drug discovery for combating influenza virus by targeting the PA-PB1 interaction. *Sci Rep* 7(1): 9500, 2017 (IF:4.259)
12. Yamaguchi S, Horie N, Satoh K, Ishikawa T, Mori T, Maeda H, Fukuda Y, Ishizaka S, Hiu T, Morofuji Y, Izumo T, Nishida N, Matsuo T: Age of donor of human mesenchymal stem cells affects structural and functional recovery after cell therapy following ischaemic stroke. *J Cereb Blood Flow Metab*: 271678X17731964, 2017 (IF:5.081)
13. Ishikawa T : Ab initio quantum chemical calculation of electron density, electrostatic potential, and electric field of biomolecule based on fragment molecular orbital method, *Int J Quantum Chem* 118(8): 25535, 2017 (IF:2.920)
14. Makau JN, Watanabe K, Ishikawa T, Mizuta S, Hamada T, Kobayashi N, Nishida N: Identification of small molecule inhibitors for influenza a virus using in silico and in vitro approaches. *PLoS One* 12(3): e0173582, 2017 (IF: 2.806)

#### B 邦文

##### B-c

1. 中込 治 : ロタウイルス感染症 : 内科学・第11版 337-338・2017

### 学会発表数

A-a	A-b		B-a	B-b	
	シンポジウム	学会		シンポジウム	学会
5	1	8	7	1	17

## 競争的研究資金獲得状況（共同研究を含む）

氏名・職	資金提供元	代表・分担	研究題目
久保嘉直・准教授	日本学術振興会科学研究費補助金	代表	新規インターフェロン $\gamma$ 誘導性ミトコンドリア蛋白質によるウイルス感染抑制機構の解明
久保嘉直・准教授	日本医療研究開発機構（AMED）エイズ対策実用化研究事業	分担	HIV Gag 蛋白質の進化能の構造生物学研究に基づく次世代の創薬シーズ創成
石川 岳志・准教授	日本科学技術振興機構 地域産学バリュープログラム	分担	計算化学手法による革新的な抗体精製用 RNA アプタマーの開発
石川 岳志・准教授	日本医療研究開発機構 感染症研究革新イニシアティブ（J-PRIDE）	分担	赤痢アメーバ“含硫脂質代謝”を標的とする阻害剤探索—全容解明と治療薬開発にむけて—
石川 岳志・准教授	日本医療研究開発機構 感染症研究革新イニシアティブ（J-PRIDE）	分担	薬剤耐性 RNA ウイルス出現予測法の確立と迅速制御のためのインシリコ創薬
石川 岳志・准教授	科学研究費助成事業 基盤研究（B）（特設）	分担	Wet-Dry 融合アプローチを用いた産業応用酵素の遷移状態制御による新機能創製
石川 岳志・准教授	科学研究費助成事業 基盤研究（C）（一般）	代表	HLA-ペプチド親和性の網羅的計算法の開発とベーチェット病の病因解明への応用
石川 岳志・准教授	科学研究費助成事業 基盤研究（B）（一般）	分担	アクチノド分子種と生体分子の相互作用に関する計算化学的研究
石川 岳志・准教授	科学研究費助成事業 基盤研究（B）（海外）	分担	東アジア調査に基づくベーチェット病、強皮症の特異的 HLA が病態に関わる機序の研究
GAUCHAN PUNITA・助教	科学研究費助成事業 基盤研究（B）	代表	ネパールにおけるロタウイルスの進化とワクチン導入が及ぼす影響の評価
金子美穂・助教	科学研究費助成事業 基盤研究（B）	分担	ネパールにおけるロタウイルスの進化とワクチン導入が及ぼす影響の評価
渡邊 健・助教	日本学術振興会	代表	科研費基盤研究 C 食品の機能成分と抗ウイルス薬の併用：薬剤耐性の克服とインフルエンザ予防は可能か？
渡邊 健・助教	日本豆類協会	代表	豆類振興事業「ササゲ属雑豆の抗ウイルス活性に関する調査研究」
渡邊 健・助教	富山大学和漢医薬学総合研究所	代表	平成 29 年度 共同利用・共同研究（D）探索研究プロジェクト 研究代表者 「伝統医薬由来の抗インフルエンザウイルス活性探索と作用機序解明」

## 特 許

氏名・職	特 許 権 名 称	出願年月日	取得年月日	番号
渡邊 健・助教	エイズワクチン	2002/4/25	2009/6/5	特許第 4 3 1 7 9 1 2 号
渡邊 健・助教	抗ウイルス医薬品の相加相乗剤	2013/3/5		特開 2 0 1 4 - 1 6 9 2 5 5
渡邊 健・助教	キノリノン化合物および抗 RNA ウイルス治療薬	2017/3/31		特願 2 0 1 7 - 7 2 2 3 0

## その他

### 非常勤講師

氏名・職	職（担当科目）	関係機関名
久保嘉直・准教授	非常勤講師（免疫学）	九州医学技術専門学校
渡邊 健・助教	協力研究員	国立大学法人富山大学和漢医薬学総合研究所
SAUNDERS TODD LEI GH・助教	非常勤講師	長崎女子短期大学

### 新聞等に掲載された活動

氏名・職	活動題目	掲載紙誌等	掲載年月日	活動内容の概要と社会との関連
渡邊 健・助教	抗ウイルス薬開発	日経産業新聞	2017年 9月1日	抗インフルエンザ薬開発を取り上げられる「インフル薬候補の化合物 長崎大、スパコン使い発見」として紹介される。
渡邊 健・助教	抗ウイルス薬開発	長崎大学ホームページ	2017年 10月10日	学術情報欄に、「新たな作用のインフルエンザ治療薬の候補物質を発見～スーパーコンピューター「DEGIMA」を用いて～」として紹介される

### ○特筆すべき事項

#### ①学術賞受賞

・金子美穂・助教

日本臨床ウイルス学会：第58回日本臨床ウイルス学会 第四回若手奨励賞